

Centro Internacional de la Papa

Lineamientos de la Marca

Contenido

- 4 Introducción
- 5 Visión y misión del CIP
- 6 Logotipo
- 7 Variación del logotipo
- 8 Lineamientos para el uso del logotipo
 - 9 Uso correcto
 - 10 Espacio libre mínimo
 - 10 Tamaño mínimo de impresión
 - 11 Tipografía
 - 12 Paleta de color
 - 14 Matriz modular
- 15 Ubicación correcta del logotipo
- 17 **Aplicaciones:**
 - 17 Papelería
 - 18 Poster
 - 20 Presentaciones en Power Point
 - 22 Identificadores personales
 - 23 Firma en correo electrónico
 - 24 Publicaciones

Introducción

Bienvenidos a la Guía de Estilo y Lineamientos de la Marca del Centro Internacional de la Papa (CIP). Aquí encontrarán información que ayudará a aplicar correctamente los elementos de la marca del CIP. Siguiendo estas normas, se podrá garantizar la claridad y la fortaleza de la marca en todas las comunicaciones. Estos lineamientos deben usarse también con otros socios de la institución y sus directrices de marca.

El CIP es una organización con una trayectoria de más de 50 años que ha sido pionera de importantes avances en la investigación agrícola para el desarrollo. Una marca homogénea en todo el CIP ayudará a elevar el nombre de la organización al nivel que se merece, la cual expresa nuestra visión compartida y nos permite ser vistos como más que la suma de nuestras partes.

El CIP es una organización de investigación para el desarrollo dedicada a la papa, el camote y las raíces y tubérculos andinos. Ofrece soluciones científicas innovadoras para mejorar el acceso a alimentos nutritivos asequibles, fomentar el crecimiento sostenible e inclusivo de empresas y empleos, e impulsar la resiliencia climática de los sistemas agroalimentarios de raíces y tubérculos. Con sede en Lima, Perú, el CIP realiza investigación en más de 20 países en África, Asia y América Latina. www.cipotato.org

El CIP es un centro de investigación del CGIAR, una asociación mundial de investigación para un futuro con seguridad alimentaria. La ciencia y la innovación de CGIAR buscan avanzar en la transformación de los sistemas de alimentos, tierra y agua en una crisis climática. Su investigación es llevada a cabo por 15 centros CGIAR en estrecha colaboración con cientos de socios, incluidos institutos de investigación nacionales y regionales, organizaciones de sociedad civil, instituciones académicas, organizaciones de desarrollo y el sector privado. www.cgiar.org

Visión

Un mundo sano, inclusivo y resiliente a través de sistemas basados en raíces y tubérculos.

Misión

El CIP ofrece soluciones innovadoras basadas en la ciencia para mejorar el acceso a alimentos nutritivos asequibles, fomentar el crecimiento de empresas y empleos inclusivos y sostenibles, e impulsar la resiliencia climática de los sistemas agroalimentarios de raíces y tubérculos.

Logotipo

El logotipo oficial del CIP está en inglés. Incluye un diseño gráfico que representa la importancia de los cultivos de raíces y tubérculos.

Los colores base del logotipo son anaranjado y marrón, para representar la papa y el camote.

El logotipo del Centro Internacional de la Papa se compone de los siguientes elementos:

- **El Símbolo:** un cuadrado con elementos en la esquina, conteniendo la figura del Papa Arariwa, guardián de la papa, sosteniendo una papa y un camote.
- **El Logotipo:** es el texto Centro Internacional de la Papa y su sigla en español CIP.



Variante del logo



Lineamientos para el uso del logotipo

El logotipo y el nombre CIP son marcas registradas en el Perú y otros países. Además, el símbolo del CIP está protegido por derechos de autor en todo el mundo. Por lo tanto, cualquier alteración, distorsión, recreación, traducción o uso indebido está absolutamente prohibido.

Una serie de archivos en formato digital están disponibles para su descarga en: www.cipotato.org/branding. Cada archivo está optimizado para una variedad de aplicaciones, tanto para comunicaciones impresas como en pantalla, con el fin de garantizar el fácil cumplimiento de estos lineamientos. No se puede volver a crear el logo bajo ninguna circunstancia.

Uso correcto

Aquí algunos ejemplos de uso adecuado del logotipo:



Si necesita asesoramiento o ayuda en el uso del logotipo, póngase en contacto con el Departamento de Comunicaciones: CIP-CPAD@cgiar.org

Espacio libre mínimo

Para aprovechar al máximo el impacto del logotipo siempre debe haber una cantidad mínima de espacio a su alrededor. Este espacio libre protege la imagen de ser oscurecida por textos o imágenes cercanas. El espacio mínimo requerido es la letra 'C' de Centro Internacional de la Papa.



Tamaño mínimo de impresión

Con el fin de garantizar la legibilidad, se ha establecido un espacio mínimo de impresión.

Altura mínima = 1.5 cm

Anchura mínima = 4 cm



Ejemplo: usado
en tarjetas de
presentación

Tipografía

El logotipo del CIP tiene estándares tipográficos para garantizar la consistencia de la marca en todos los materiales impresos. La tipografía es un elemento de diseño extremadamente importante que no debe pasarse por alto. Las familias tipográficas Square y Myriad Pro, se han establecido como estándar del logo del CIP.



Fuente primaria para impresión

Como regla general, se debe usar Square y Myriad Pro para los titulares. Para subtítulos y cuerpo del texto, se recomienda Myriad Pro. Si no se dispone de la familia Myriad Pro, Arial es un sustituto aceptable y comúnmente disponible.

Square BT

Square BT Roman	A B C D E F G H I J K L M N O P Q R S T U V W X Y Z 1 2 3 4 5 6 7 8 9
Square BT Bold	A B C D E F G H I J K L M N O P Q R S T U V W X Y Z 1 2 3 4 5 6 7 8 9

Myriad Pro

Myriad Pro Light Condensed	A B C D E F G H I J K L M N O P Q R S T U V W X Y Z 1 2 3 4 5 6 7 8 9
Myriad Pro Condensed	A B C D E F G H I J K L M N O P Q R S T U V W X Y Z 1 2 3 4 5 6 7 8 9
Myriad Pro SemiboldCondensed	A B C D E F G H I J K L M N O P Q R S T U V W X Y Z 1 2 3 4 5 6 7 8 9
Myriad Pro BoldCondensed	A B C D E F G H I J K L M N O P Q R S T U V W X Y Z 1 2 3 4 5 6 7 8 9
Myriad Pro BlackCondensed	A B C D E F G H I J K L M N O P Q R S T U V W X Y Z 1 2 3 4 5 6 7 8 9
Myriad Pro Light	A B C D E F G H I J K L M N O P Q R S T U V W X Y Z 1 2 3 4 5 6 7 8 9
Myriad Pro Regular	A B C D E F G H I J K L M N O P Q R S T U V W X Y Z 1 2 3 4 5 6 7 8 9
Myriad Pro Semibold	A B C D E F G H I J K L M N O P Q R S T U V W X Y Z 1 2 3 4 5 6 7 8 9
Myriad Pro Bold	A B C D E F G H I J K L M N O P Q R S T U V W X Y Z 1 2 3 4 5 6 7 8 9
Myriad Pro Black	A B C D E F G H I J K L M N O P Q R S T U V W X Y Z 1 2 3 4 5 6 7 8 9

Paleta de color

El logo del CIP puede reproducirse a todo color. Estos colores sirven como fuente de nuestra paleta estándar de color. Estos colores se deben emplear en las comunicaciones del CIP y son equivalentes a los números de PANTONE® listados a continuación:

Para impresión **en cuatro colores**, referirse a los valores CMYK mostrados.

Para **edición electrónica**, como Word o Power Point®, referirse a RGB (impresión/en pantalla)

Para **aplicaciones web**, referirse a valores Hexadecimales Web.

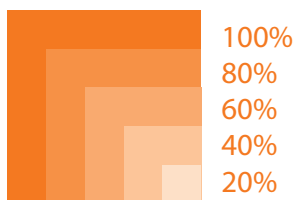
Paleta de colores primarios

PANTONE: 1505 C

C:00 | M:65 | Y:100 | K:00

R:238 | G:114 | B:3

HEX: #EE7203



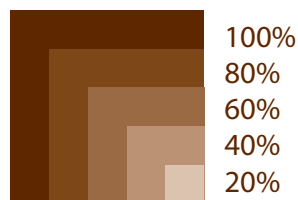
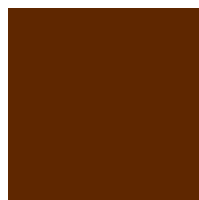
100%
80%
60%
40%
20%

PANTONE: 1545 C

C:00 | M:65 | Y:100 | K:75

R:93 | G:46 | B:0

HEX: #5D2E00



100%
80%
60%
40%
20%

Paleta de colores secundarios

Usada para publicaciones y otras aplicaciones

PANTONE: 364 C

C:73 | M:09 | Y:94 | K:39
R:52 | G:117 | B:45
HEX: #34752D



PANTONE: 1795 C

C:00 | M:90 | Y:100 | K:00
R:230 | G:51 | B:18
HEX: #E53212



PANTONE: 2607 C

C:80 | M:100 | Y:00 | K:10
R:86 | G:33 | B:122
HEX: #56217A



PANTONE: 354 C

C:80 | M:00 | Y:100 | K:00
R:19 | G:165 | B:56
HEX: #12A537



PANTONE: 1665 C

C:00 | M:75 | Y:100 | K:00
R:234 | G:91 | B:12
HEX: #EA5A0B



PANTONE: 192 C

C:00 | M:100 | Y:70 | K:00
R:228 | G:00 | B:58
HEX: #E4003A



PANTONE: 369 C

C:60 | M:00 | Y:100 | K:00
R:118 | G:184 | B:42
HEX: #76B82A



PANTONE: 152 C

C:00 | M:50 | Y:100 | K:00
R:243 | G:146 | B:00
HEX: #F39200



PANTONE: Pro Mag. C

C:00 | M:100 | Y:00 | K:00
R:230 | G:00 | B:126
HEX: #E6007E



PANTONE: 376 C

C:40 | M:00 | Y:100 | K:00
R:175 | G:202 | B:11
HEX: #AFCA0A



PANTONE: 137 C

C:00 | M:30 | Y:100 | K:00
R:251 | G:186 | B:00
HEX: #FBB400



PANTONE: Pro. Cyan C

C:100 | M:00 | Y:00 | K:00
R:00 | G:159 | B:227
HEX: #009FE3



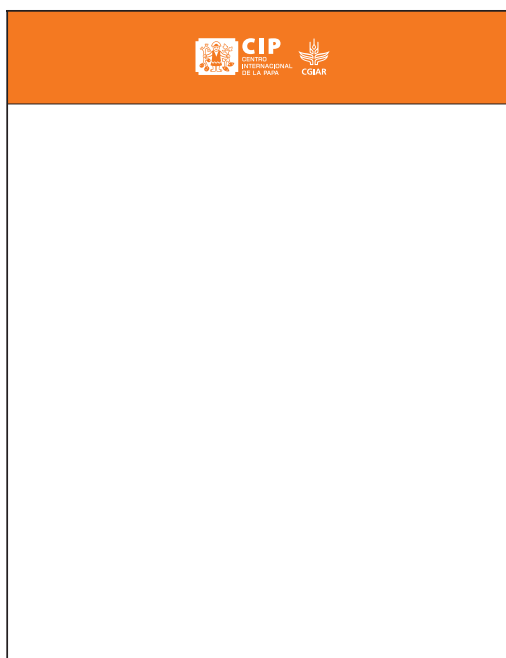
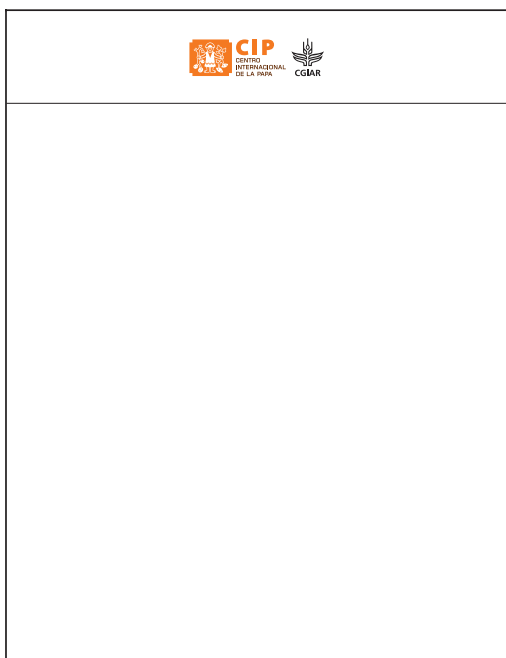
Matriz modular

La matriz modular debe dividirse horizontalmente en siete filas y verticalmente en seis columnas subdividida, a su vez, en tres columnas principales.

Ubicación
correcta
del logo

El logotipo debe ser colocado en la parte central superior, en un campo blanco, anaranjado o marrón. También puede ser colocado en 10 por ciento de cualquier color.



Aplicaciones:

Papelería

Membretes



El CIP es apoyado por el Grupo Consultivo para la Investigación Agrícola Internacional

Dirección:
Av. La Molina 1895, La Molina, Lima, Perú

Lima 24 de Enero de 2016

Sr. Donce quam felis

Atención: consequat massa
Presente.-

Lorem ipsum dolor sit amet, consectetur adipiscing elit. Aenean commodo ligula eget dolor. Aenean massa. Cum sociis natoque penatibus et magnis dis parturient montes, nascetur ridiculus mus. Donec quam felis, ultricies nec, pellentesque eu, pretium quis, sem. Nulla consequat massa quis enim. Donec pede justo, fringilla vel, aliquet nec, vulputate eget, arcu. In enim justo, rhoncus ut, imperdiet a, venenatis vitae, justo. Nullam dictum felis eu pede mollis pretium. Integer tincidunt. Cras dapibus. Vivamus elementum

semper nisi. Aenean vulputate eleifend tellus. Aenean leo ligula, porttitor eu, consequat vitae, eleifend ac, enim. Aliquam lorem ante, dapibus in, viverra quis, feugiat a, tellus. Phasellus viverra nulla ut metus varius laoreet. Quisque rutrum. Aenean imperdiet. Etiam ultricies nisi vel augue. Curabitur ullamcorper ultricies nisi. Nam eget dui. Etiam rhoncus. Maecenas tempus, tellus eget condimentum rhoncus, sem quam

semper libero, sit amet adipiscing sem neque sed ipsum. Nam quam nunc, blandit vel, luctus pulvinar, hendrerit id, lorem. Maecenas nec odio et ante tincidunt tempus. Donec vitae sapien ut libero venenatis faucibus. Nullam quis ante. Etiam sit amet orci eget eros faucibus tincidunt. Duis leo. Sed fringilla mauris sit amet nibh. Donec sodales sagittis magna. Sed consequat, leo eget bibendum sodales, augue velit cursus nunc.

Lorem ipsum dolor sit amet, consectetur adipiscing elit. Aenean commodo ligula eget dolor. Aenean massa. Cum sociis natoque penatibus et magnis dis parturient montes, nascetur ridiculus mus. Donec quam felis, ultricies nec, pellentesque eu, pretium quis, sem. Nulla consequat massa quis enim. Donec pede justo, fringilla vel, aliquet nec, vulputate eget, arcu. In enim justo, rhoncus ut, imperdiet a, venenatis vitae, justo. Nullam dictum felis eu pede mollis pretium. Integer tincidunt. Cras dapibus. Vivamus elementum

semper nisi. Aenean vulputate eleifend tellus. Aenean leo ligula, porttitor eu, consequat vitae, eleifend ac, enim. Aliquam lorem ante, dapibus in, viverra quis, feugiat a, tellus. Phasellus viverra nulla ut metus varius laoreet. Quisque rutrum. Aenean imperdiet. Etiam ultricies nisi vel augue. Curabitur ullamcorper ultricies nisi. Nam eget dui. Etiam rhoncus. Maecenas tempus, tellus eget condimentum rhoncus, sem quam semper nisi. Aenean vulputate eleifend tellus. Aenean leo ligula, porttitor eu, consequat vitae, eleifend ac, enim. Aliquam lorem ante, dapibus in, viverra quis, feugiat a, tellus. Phasellus viverra nulla ut metus varius laoreet. Quisque rutrum. Aenean imperdiet. Etiam ultricies nisi vel augue. Curabitur ullamcorper ultricies nisi. Nam eget dui. Etiam rhoncus. Maecenas tempus, tellus eget condimentum rhoncus, sem quam semper nisi. Aenean vulputate eleifend tellus. Aenean leo ligula, porttitor eu, consequat vitae, eleifend ac, enim. Aliquam lorem ante, dapibus in, viverra quis, feugiat a, tellus. Phasellus viverra nulla ut metus varius laoreet. Quisque rutrum. Aenean imperdiet. Etiam ultricies nisi vel augue. Curabitur ullamcorper ultricies nisi. Nam eget dui. Etiam rhoncus. Maecenas tempus, tellus eget condimentum rhoncus, sem quam Lorem ipsum dolor sit amet, consectetur adipiscing elit. Aenean commodo ligula eget dolor. Aenean massa. Cum sociis natoque penatibus et magnis dis parturient montes, nascetur ridiculus mus. Donec quam felis, ultricies nec, pellentesque eu, pretium quis, sem. Nulla consequat massa quis enim. Donec pede justo, fringilla vel, aliquet nec, vulputate eget, arcu. In enim justo, rhoncus ut, imperdiet a, venenatis vitae, justo. Nullam dictum felis eu pede

Atentamente

Lorem ipsum dolor sit amet

Tarjetas de presentación



Wolfgang Grüneberg, Ph.D., MBA
Sweetpotato Breeder and Geneticist Sweetpotato
Breeder and Geneticist
w.gruneberg@cgiar.org • www.cipotato.org

Programa Global de Genética y Mejoramiento de Cultivos

Dirección Postal: Apartado 1558, Lima 12, Perú
Tel: +51 1 349 6017 ext 3062 • **Directo:** +51 1 349 6007
Celular: +51 1 985 003 589 • **Fax:** +51 1 317 5326
HUANCAYO: Santa Ana Experimental Station Huancayo, Perú
Tel: +51 64 246767 / 246673 • **Skype:** red.innovacion.papa

Dirección: Av. La Molina 1895, La Molina, Lima, Perú

Sobres



El CIP es apoyado por el Grupo Consultivo para la Investigación Agrícola Internacional

Dirección:
Av. La Molina 1895, La Molina, Lima, Perú

Posters

Poster del CIP (36x48 pulg.)




Carlos Chuquillanqui¹ • Ian Barker¹

¹ International Potato Center (CIP), Germplasm Enhancement and Crop Improvement-Crop Management Division • Av. La Molina 1895, La Molina, Lima 12, Peru

Respuesta de tres variedades de papa en un sistema Aeropónico novedoso para la producción

Background

WRKY proteins are a superfamily of transcription factors involved in various physiological processes in plants, including pathogen defence. WRKY transcription factors have been shown to act as both negative and positive regulators of defence, suggesting that they may operate through different regulatory complexes. The different roles can be partly determined by the topological features of the proteins.

The WRKY domain is defined by the conserved amino acid sequence WRKYGQK at the N-terminal end followed by a zinc-finger-like motif. WRKY proteins are classified based on the number of WRKY domains and the structure of the zinc-finger-like motif.

The data presented here is the first step towards unveiling the role of WRKY transcription factors in regulating pathogen defence responses in CIP's potato germplasm.

Methods

The evolutionary history was inferred using the Neighbor-Joining method [2]. The bootstrap consensus tree inferred from 1000 replicates [3] is taken to represent the evolutionary history of the taxa analyzed [3]. Branches corresponding to partitions reproduced in less than 50% bootstrap replicates are collapsed. The percentage of replicate trees in which the associated taxa clustered together in the bootstrap test (1000 replicates) are shown next to the branches [3]. The evolutionary distances were computed using the Poisson correction method [4] and are in the units of the number of amino acid substitutions per site. All positions containing gaps and missing data were eliminated from the dataset (Complete deletion option). There were a total of 61 positions in the final dataset. Phylogenetic analyses were conducted in MEGA4 [5]. Sequence alignment of each group with each groups characteristic motifs are shown on the right.

Transcript profiles

For 77 of the WRKY peptides transcripts were detected among the RNA sequence libraries. Most of the transcripts had a low abundance suggesting low level of expression, but there are also transcripts that accumulate in large amounts in certain tissues or after biotic or abiotic stimuli (Figure 2). For example, the first transcript in Figure 2 has a relatively high expression across all treatments, with the highest expression in biotic stress treated leaves. This transcript corresponds to a WRKY protein from Group 1 that is highly similar (99%) to a double WRKY protein PPS8 of *S. tuberosum*, which is a candidate substrate for MAPKs that play pivotal roles in induced defence responses [6].

WRKY transcription factors are part of complex co-regulatory mechanisms and more detailed expression studies are required to identify their role defence response regulation.

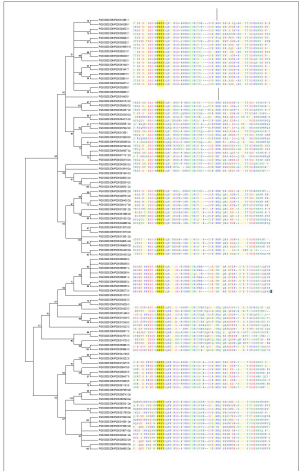


Figure 1. Evolutionary relationships of 96 WRKY proteins.

supported phylogenetic groups. Group 4 is new as compared to Arabidopsis and is clearly distinguished by a different type of zinc finger motif with the C-X4-C motif typical to Group 2 but with a H-X-C motif typical for group 3. Groups 2d and 2e each form well supported phylogenetic groups. Group 4 is new as compared to Arabidopsis and is clearly distinguished by a different type of zinc finger motif supported phylogenetic groups. Group 4 is new as compared to Arabidopsis and is clearly distinguished by a different type of zinc finger motif with the C-X4-C motif typical to Group 2 but with a H-X-C motif typical for group 3.

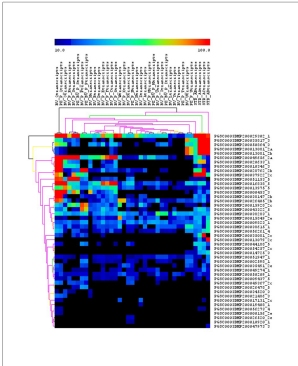


Figure 2. Comparison of transcript accumulation in different tissues and in response to biotic and abiotic stimuli. Expression in DM is determined by FPKM (Fragments Per Kilobase of exon per Million fragments mapped) values (PGSC).



CIP
CENTRO
INTERNACIONAL
DE LA PAPA



CGIAR

Respuesta de tres variedades de papa en un sistema Aeropónico novedoso para la producción

Background

WRKY proteins are a superfamily of transcription factors involved in various physiological processes in plants, including pathogen defence. WRKY transcription factors have been shown to act as both negative and positive regulators of defence, suggesting that they may operate through different regulatory complexes. The different roles can be partly determined by the topological features of the proteins.

The WRKY domain is defined by the conserved amino acid sequence WRKYGQK at the N-terminal end followed by a zinc-finger-like motif. WRKY proteins are classified based on the number of WRKY domains and the structure of the zinc-finger-like motif.

The data presented here is the first step towards unveiling the role of WRKY transcription factors in regulating pathogen defence responses in CIP's potato germplasm.

Julián Mateus¹ • Stef de Haan²
Carlos Chuquillanqui²
Ian Barker² • Alfredo Rodríguez³

¹ Corporación Colombiana de Investigación Agropecuaria (CORPOICA), Centro de Investigación Tibaitatá • Km 14 vía Bogotá – Mosquera, Colombia

² International Potato Center (CIP), Germplasm Enhancement and Crop Improvement-Crop Management Division • Av. La Molina 1895, La Molina, Lima 12, Perú

³ Universidad Nacional Agraria La Molina, Centro de Investigación de Hidroponía y Nutrición Mineral, Departamento de Biología • Av. La Molina s/n, La Molina, Lima 12, Perú

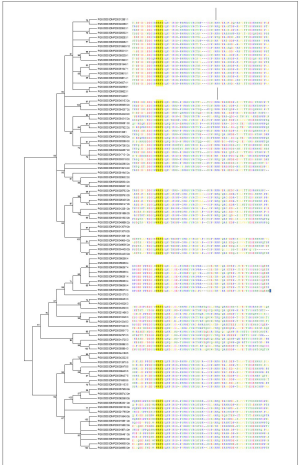


Figure 1. Evolutionary relationships of 96 WRKY proteins.

supported phylogenetic groups. Group 4 is new as compared to Arabidopsis and is clearly distinguished by a different type of zinc finger motif with the C-X4-C motif typical to Group 2 but with a H-X-C motif typical for group 3. Groups 2d and 2e each form well supported phylogenetic groups. Group 4 is new as compared to Arabidopsis and is clearly distinguished by a different type of zinc finger motif supported phylogenetic groups. Group 4 is new as compared to Arabidopsis and is clearly distinguished by a different type of zinc finger motif with the C-X4-C motif typical to Group 2 but with a H-X-C motif typical to Group 2 but with a H-X-C motif typical for group 3.

The evolutionary history was inferred using the Neighbor-Joining method [2]. The bootstrap consensus tree inferred from 1000 replicates [3] is taken to represent the evolutionary history of the taxa analyzed [3]. Branches corresponding to partitions reproduced in less than 50% bootstrap replicates are collapsed. The percentage of replicate trees in which the associated taxa clustered together in the bootstrap test (1000 replicates) are shown next to the branches [3]. The evolutionary distances were computed using the Poisson correction method [4] and are in the units of the number of amino acid substitutions per site. All positions containing gaps and missing data were eliminated from the dataset (Complete deletion option). There were a total of 61 positions in the final dataset. Phylogenetic analyses were conducted in MEGA4 [5]. Sequence alignment of each group with each groups characteristic motifs are shown on the right.

Methods

WRKY Pfam profile PF03106 consisting of the alignment of 34 WRKY type sequences was used to mine the PGSC DM peptides with HMMER algorithm and 135 sequences were obtained. After alignment the proteins lacking either the WRKY motif or part of the zinc finger motif were removed. WRKY domains (75 amino acids) of 96 proteins were subjected to phylogenetic analysis by MEGA4 and NJ consensus tree was computed (Figure 1). Potential leucine zippers, leucine repeats and coiled coil domains were predicted in full length WRKY proteins using ZZIP server at <http://Zzip.molgen.mpg.de/>.

Potato WRKY protein Phylogeny

The groups previously classified in Arabidopsis [1] were identified. Group 1 proteins contain 2 WRKY domains and based on the C-terminal WRKY domain alone do not form a clearly supported group in phylogenetic tree. Part of the group 2b proteins cluster together with group 2a proteins. However, these groups can be differentiated on the N-terminal region of the protein before the WRKY domain. Only group 2a proteins were found to contain a predicted leucine zipper (LZ) whereas some of the group 2b proteins contain a coiled coil (CC) domain.

Groups 2d and 2e each form well supported phylogenetic groups. Group 4 is new as compared to Arabidopsis and is clearly distinguished by a different type of zinc finger motif with the C-X4-C motif typical to Group 2 but with a H-X-C motif typical for group 3. Groups 2d and 2e each form well supported

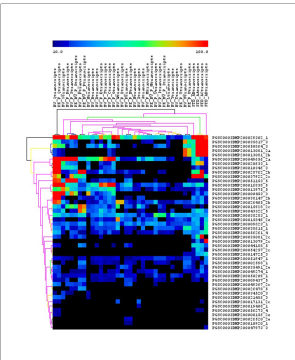


Figure 2. Comparison of transcript accumulation in different tissues and in response to abiotic and biotic stimuli. Expression in DM is determined by FPKM (Fragments Per Kilobase of exon per Million fragments mapped) values (PGSC).

Transcript profiles

For 77 of the WRKY peptides transcripts were detected among the RNA sequence libraries. Most of the transcripts had a low abundance suggesting low level of expression, but there are also transcripts that accumulate in large amounts in certain tissues or after biotic or abiotic stimuli (Figure 2). For example, the first transcript in Figure 2 has a relatively high expression across all treatments, with the highest expression in biotic stress treated leaves. This transcript corresponds to a WRKY protein from Group 1 that is highly similar (99%) to a double WRKY protein PPS8 of *S. tuberosum*, which is a candidate substrate for MAPKs that play pivotal roles in induced WRKY transcription factors are part of complex co-regulatory mechanisms and more detailed expression studies are required to identify their role defence response regulation.



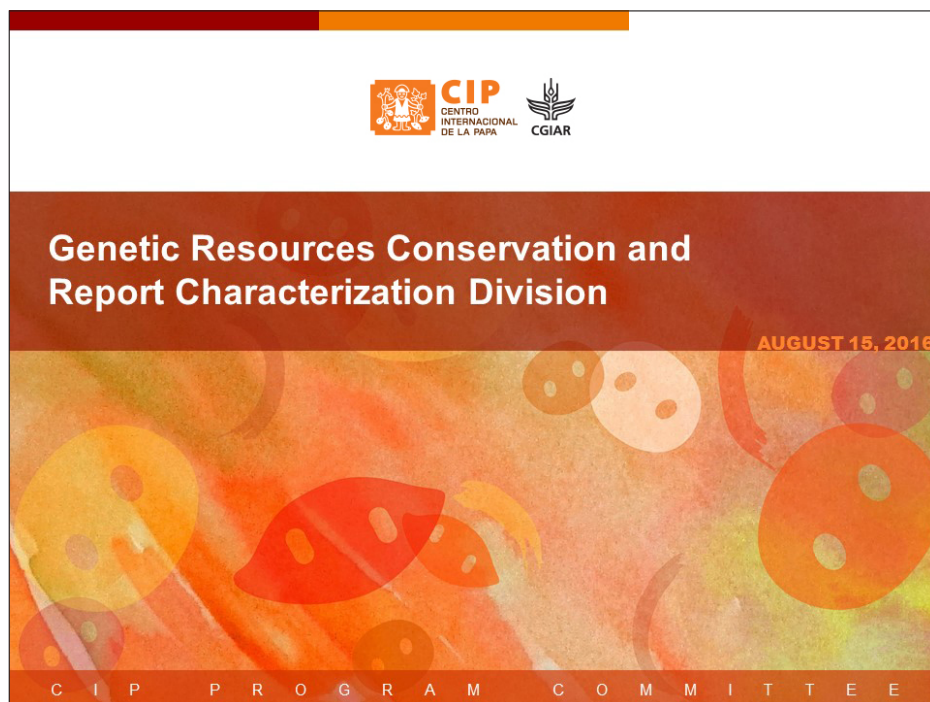
CGIAR

RESEARCH PROGRAM ON
Roots, Tubers and Bananas



Corpoica
 Corporación Colombiana de Investigación Agropecuaria

Presentaciones Power Point (en pantalla)



Presentaciones Power Point

**CIP**
CENTRO
INTERNACIONAL
DE LA PAPA



Genetic Resources Conservation and Report Characterization Division

AUGUST 15, 2016



C I P P R O G R A M C O M M I T T E E

**CIP**
CENTRO
INTERNACIONAL
DE LA PAPA

El CIP es una organización de investigación para el desarrollo dedicada a la papa, el camote y las raíces y tubérculos andinos. Ofrece soluciones científicas innovadoras para mejorar el acceso a alimentos nutritivos asequibles, fomentar el crecimiento sostenible e inclusivo de empresas y empleos, e impulsar la resiliencia climática de los sistemas agroalimentarios de raíces y tubérculos. Con sede en Lima, Perú, el CIP realiza investigación en más de 20 países en África, Asia y América Latina.

www.cipotato.org


CGIAR
Ciencia para un futuro sin hambre

El CIP es un centro de investigación de CGIAR, una asociación mundial de investigación para un futuro con seguridad alimentaria. La ciencia y la innovación de CGIAR buscan avanzar en la transformación de los sistemas de alimentos, tierra y agua en una crisis climática. Su investigación es llevada a cabo por 15 centros CGIAR en estrecha colaboración con cientos de socios, incluidos institutos de investigación nacionales y regionales, organizaciones de sociedad civil, instituciones académicas, organizaciones de desarrollo y el sector privado.

www.cgiar.org

El CIP agradece a los donantes y organizaciones que apoyan globalmente su trabajo a través de sus contribuciones al Fondo Fiduciario del CGIAR: <https://www.cgiar.org/funders/>

© 2016 Centro Internacional de la Papa. Todos los derechos reservados.
Este material del Centro Internacional de la Papa es compartido bajo Licencia Creative Commons Atribución 4.0 Internacional (CC-BY 4.0).
Para ver una copia de esta licencia visite: <https://creativecommons.org/licenses/by/4.0/>. Los permisos fuera del alcance de esta licencia pueden consultarse en: <https://www.cipotato.org/contact>

Identificadores personales



Firma en correo electrónico

James Stapleton (CIP)

To: Viviana Infantas
Subject: Board Meeting 2022

Lorem ipsum dolor sit amet, consectetur adipiscing elit. In tempor ligula turpis. Pellentesque sem lectus, venenatis eget neque eu, sagittis scelerisque tortor. Fusce non justo nisi. Mauris suscipit vel velit eget efficitur. Etiam faucibus ornare ipsum, vitae elementum urna pretium eu. Integer non leo sit amet mi hendrerit scelerisque. Etiam id tortor sed arcu porttitor eleifend. Mauris viverra dignissim est, vel eleifend nibh ultrices molestie. Morbi ultricies condimentum neque non viverra. Pellentesque vitae fringilla nisi. Pellentesque habitant morbi tristique senectus et netus et malesuada fames ac turpis egestas. Curabitur et aliquet tortor. In pretium, urna id condimentum congue, urna tortor luctus lacus, sit amet placerat mauris risus sed magna. Phasellus rutrum, eros ut viverra dignissim, sem arcu hendrerit justo, id hendrerit dolor massa et ex. Morbi nulla risus, blandit ut cursus eu, eleifend ac nulla.

Mauris blandit urna quis convallis posuere. Fusce ut scelerisque nunc, eu mollis libero. Donec ultricies ex nec finibus sodales. Sed pulvinar leo sed mi gravida auctor eu nec nunc. Ut ornare, dui eu ullamcorper vehicula, ex velit condimentum justo, id suscipit nulla tellus vel lectus. Quisque sit amet felis velit. Maecenas mattis nec turpis a posuere. Morbi sollicitudin eu nisi vel rutrum. Vestibulum lobortis laoreet congue. Pellentesque faucibus, lacus elementum aliquet dapibus, leo augue ullamcorper augue, id vestibulum elit ligula sed dolor. Integer quis nisi in elit vehicula commodo a tincidunt est. Maecenas iaculis bibendum orci vitae sollicitudin. Nunc non cursus lorem. Aliquam eget lectus sed mi iaculis elementum. Praesent egestas eros sed eros vestibulum maximus. Aenean nec risus ultricies purus porta iaculis eu a tellus.

James Stapleton | Head, Communication Department
International Potato Center

Apartado 1558, Lima 12, Perú
Tel: +51 1 349 6017 ext 3011 / +51 1 317 5303
j.stapleton@cgiar.org • www.cipotato.org



CIP
CENTRO
INTERNACIONAL
DE LA PAPA



Publicaciones

Carátula

Todas las publicaciones —incluyendo informes, estudios, artículos, etc.— deben seguir estas normas de marca. El logotipo del CIP siempre aparece en la parte central superior en un campo en blanco. Los otros logos deben colocarse en la parte inferior de la carátula.



Contracarátula

La Misión y Visión del CIP siempre debe figurar en la contracarátula.

El CIP es una organización de investigación para el desarrollo dedicada a la papa, el camote y las raíces y tubérculos andinos. Ofrece soluciones científicas innovadoras para mejorar el acceso a alimentos nutritivos asequibles, fomentar el crecimiento sostenible e inclusivo de empresas y empleos, e impulsar la resiliencia climática de los sistemas agroalimentarios de raíces y tubérculos. Con sede en Lima, Perú, el CIP realiza investigación en más de 20 países en África, Asia y América Latina.
www.cipotato.org

El CIP es un centro de investigación de CGIAR, una asociación mundial de investigación para un futuro con seguridad alimentaria. La ciencia y la innovación de CGIAR buscan avanzar en la transformación de los sistemas de alimentos, tierra y agua en una crisis climática. Su investigación es llevada a cabo por 15 centros CGIAR en estrecha colaboración con cientos de socios, incluidos institutos de investigación nacionales y regionales, organizaciones de sociedad civil, instituciones académicas, organizaciones de desarrollo y el sector privado.
www.cgiar.org

Para más información, por favor contactar la sede principal del CIP: Av. La Molina 1895, La Molina. Apartado 1558, Lima 12, Perú.
☎ +51 7 3496017 ✉ cip-cpa@cgiar.org 🌐 www.cipotato.org | 📱 @cipotato 🐦 @Cipotato 📷 @icjp_cipotato

El CIP agradece a los donantes y organizaciones que apoyan globalmente su trabajo a través de sus contribuciones al Fondo Fiduciario del CGIAR, www.cgiar.org/funders

 © Mayo 2022. Esta publicación está registrada por el Centro Internacional de la Papa CIP. Esta licencia se basa en la Licencia Internacional de Atribución 4.0 de Creative Commons.

WWW.CIPOTATO.ORG

www.cipotato.org/branding

